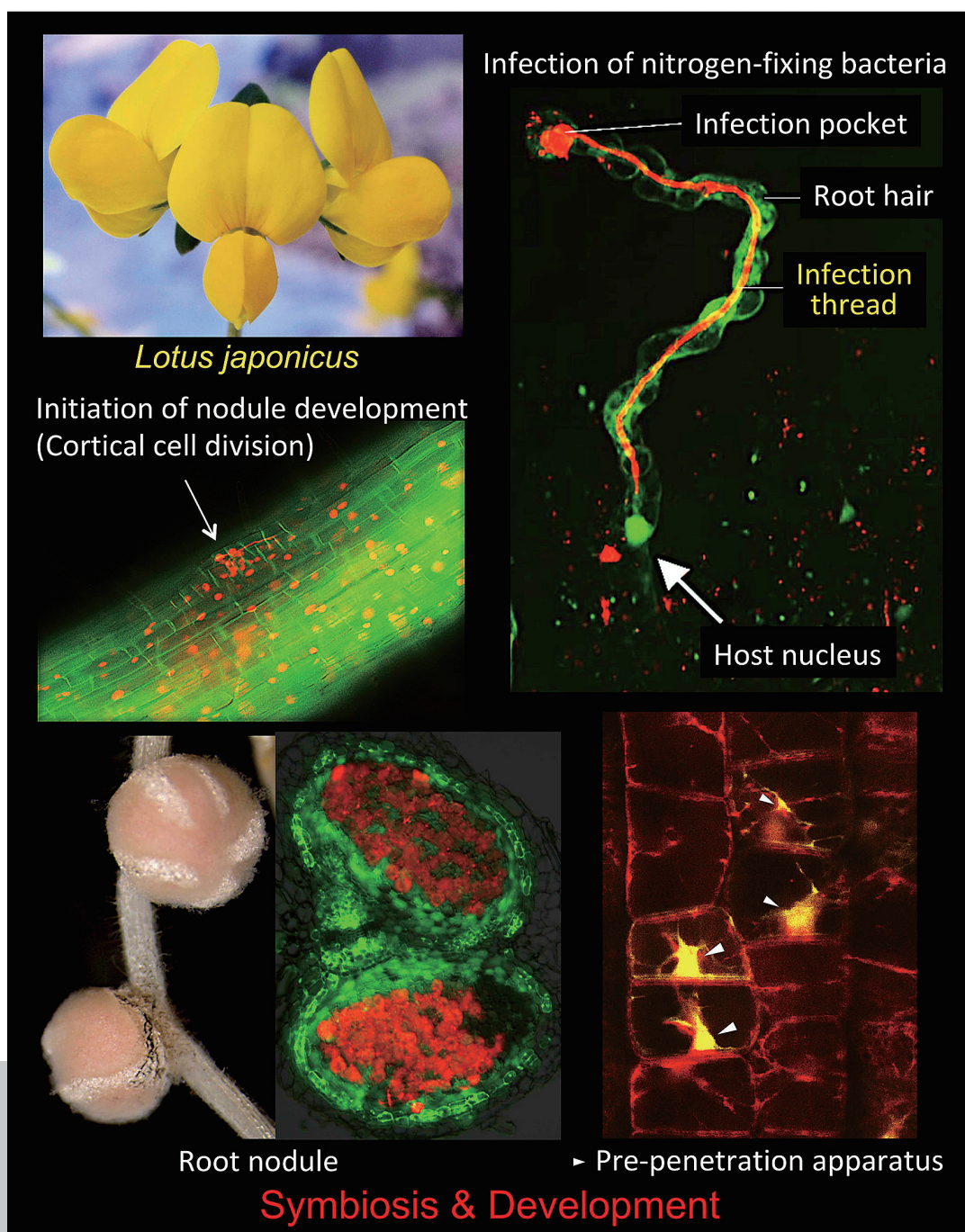


共生の仕組みと進化の解明

マメ科植物は根粒菌と相互作用することで、感染糸の形成と皮層細胞の分裂を誘導し、「根粒」と呼ばれる窒素固定器官を形成します。一方、アーバスキュラー菌根菌（AM 菌）は多くの陸上植物と共生し、成長に必要なリンや水分を効率よく吸収するとともに光合成産物を AM 菌に供与します。近年、マメ科植物の根粒共生は、4 億年よりも前に起源を持つ AM 菌との共生を基盤として、進化してきたことが分かってきました。私たちは、日本に自生するマメ科のモデル植物ミヤコグサと、根粒菌および AM 菌を用いて、生態系を支える2つの共生系の分子機構と進化を解明することを目指しています。さらに、未だ多くの謎に包まれている AM 菌の特性を明らかにするために、AM 菌の非共生培養や形質転換技術の開発にも取り組んでいます。



Staff

教授

川口 正代司

助教

及川 和聡

特任助教

嵐田 遥

技術課技術職員

田中 幸子

根粒形成過程と共生遺伝子

多くのマメ科植物に見られる根粒では、大気中の窒素分子は常温常圧で効率よくアンモニアへと変換される。根粒菌が根に感染すると、数日以内に感染糸を介して宿主の細胞内に取り込まれ、窒素固定を行うバクテロイドへと変化する。(図1)。

私たちは、マメ科のモデル植物ミヤコグサを用いて、包括的な共生変異体の単離を行い、根粒菌の感染や窒素固定、根粒形成の全身制御に関わる原因遺伝子を特定している。興味深いことに、根粒形成のごく初期に関わる遺伝子の多くは、AM菌との共生にも必須であった(赤字で示した遺伝子)。原因遺伝子の機能を解明することで、2つの共生系の分子メカニズムの解明を目指している。

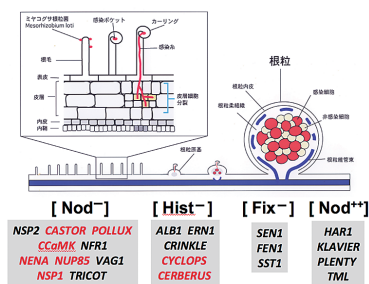


図1. 根粒形成過程の概要と根粒・菌根共生に必要な宿主遺伝子

根と葉の遠隔コミュニケーションによる根粒形成の全身制御

共生窒素固定は多くの生体エネルギーを消費するため、マメ科植物は根粒の数を適切に制御している。私たちは、ミヤコグサの根粒過剰着生変異体を用いて、根粒数が根と葉の遠距離コミュニケーションによって制御される分子メカニズムを解明してきた。これまで、根から葉へと遠距離移動する糖修飾されたCLEペプチド、その受容体であるHAR1、HAR1によって制御され葉から根へと長距離移動するマイクロRNA(miR2111)やサイトカニン、シュート由来のシグナルを根で受けるTML等を特定してきた。現在、全身的なフィードバック制御の全容解明を進めている(図2)。また、「根」における感染や窒素情報をあえて「葉」に送る生物学的意義は不明であり、一次代謝制御の観点から研究を進めている。

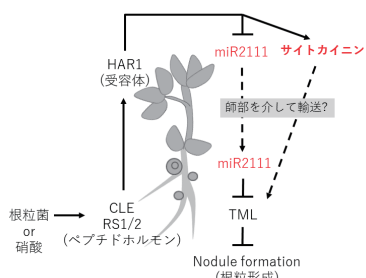


図2. 「根」と「葉」の遠隔シグナル伝達を介した根粒形成の全身制御モデル

根粒形成シグナリングと共生システムの進化

根粒共生とAM共生では、初期応答に関わる遺伝子が共通していることから、マメ科植物は多くの陸上植物に保存されるAM共生の遺伝子を基盤として、根粒共生を進化させたと考えられる。通常、植物は側根を発達させることで土壌中の限られた養分を効率よく吸収している。最近、根粒共生に特異的な転写因子の下流で、側根の発達に関わる遺伝子が根粒の形成に流用されていることが分かってきた。さらにオーキシンのメチル化やサイトカニン応答の振動が重要であることもわかってきた。AM共生に必要な宿主因子を基盤として、どのような因子や制御系が獲得されたのかを解明することで、根粒共生の進化を解明することを目指している。

AM菌の特性解析と非共生培養技術開発

AM菌は宿主植物に感染しなければ増殖できない絶対共生性の真菌であり、個体内でrDNA多型を示すなど興味深い特徴を持っている。しかし、AM菌の生物学的性質は未解明の部分が多く、共生の分子機構もほとんど明らかになっていない。私たちは、AM菌の特性解析、非共生培養技術および形質転換技術の開発に取り組んでいる。

参考文献:

- Soyano, T., Akamatsu, A., Takeda, N., Watahiki, M., Goh, T., Okuma, N., Suganuma, N., Kojima, M., Takebayashi, Y., Sakakibara, H., Nakajima, K., and Kawaguchi, M. (2024). Periodic cytokinin responses in *Lotus japonicus* rhizobium infection and nodule development. *Science* 385, 288-294.
- Goto, T., Soyano, T., Liu, M., Mori, T., and Kawaguchi, M. (2022). Auxin methylation by *IAMT1*, duplicated in the legume lineage, promotes root nodule development in *Lotus japonicus*. *Proc. Natl. Acad. Sci. USA* 119, e2116549119.
- Tanaka, S., Hashimoto, K., Kobayashi, Y., Yano, K., Maeda, T., Kameoka, H., Ezawa, T., Saito, K., Akiyama, K., and Kawaguchi, M. (2022). Asymbiotic mass production of the arbuscular mycorrhizal fungus *Rhizophagus clarus*. *Commun. Biol.* 5, 43.
- Okuma, N., Soyano, T., Suzuki, T., and Kawaguchi, M. (2020). MIR2111-5 locus and shoot-accumulated mature miR2111 systemically enhance nodulation depending on HAR1 in *Lotus japonicus*. *Nat. Commun.* 11, 5192.
- Sasaki, T., Suzuki, T., Soyano, T., Kojima, M., Sakakibara, H., and Kawaguchi, M. (2014). Shoot-derived cytokinins systemically regulate root nodulation. *Nat. Commun.* 5, 4983.
- Okamoto, S., Shinohara, H., Mori, T., Matsubayashi, Y., and Kawaguchi, M. (2013). Root-derived CLE glycopeptides control nodulation by direct binding to HAR1 receptor kinase. *Nat. Commun.* 4, 2191.

教授
川口 正代司

助教
及川 和聡

特任助教
嵐田 遥

