

平成27年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
重点共同利用研究	15-101	哺乳類着床前胚の発生動態解析システムの構築とその応用	小林 徹也	東京大学生産技術研究所
重点共同利用研究	15-103	microRNAの始原機能を探る～次世代シーケンサーによる単細胞真核生物のmiRNA機能解析～	山崎 朋人	高知工科大学環境理工学群
モデル生物・技術開発共同利用研究	15-201	社会組織化の分子機構とその進化過程解明のモデル昆虫「シロアリ」のゲノム科学的研究基盤の構築	三浦 徹	北海道大学大学院地球環境科学研究院
モデル生物・技術開発共同利用研究	15-202	ホタルの全ゲノム解析による発光形質の分子機能・発生・生態・進化の理解と、国際なホタルゲノムコミュニティーの形成	大場 裕一	名古屋大学大学院生命農学研究科
モデル生物・技術開発共同利用研究	15-203	環境生物学の新興モデル生物アブラムシの研究者コミュニティ形成とポストゲノム研究基盤構築	重信 秀治	自然科学研究機構基礎生物学研究所
個別共同利用研究	15-301	アフリカツメガエルはどのようにして異質四倍体化したか	平良 眞規	東京大学大学院理学系研究科附属臨海実験所
個別共同利用研究	15-302	マウス卵管における器官の非対称性と細胞極性をつなぐ機構の解析	上村 匡	京都大学大学院生命科学研究所
個別共同利用研究	15-304	イセハナビ属植物を用いた周期的一斉開花の進化研究	吉村 仁	静岡大学創造科学技術大学院
個別共同利用研究	15-305	花卉形態形成に関わるワックス合成酵素様タンパク質の活性測定	武田 征士	京都府立大学大学院生命環境科学研究科
個別共同利用研究	15-306	3型分泌装置を用いて宿主自身のタンパク質を根粒菌からマメ科植物へ注入する試み	佐伯 和彦	奈良女子大学大学院自然科学系
個別共同利用研究	15-307	窒素固定能が増加するミヤコグサ突然変異体の検定及びマッピング	野村 美加	香川大学農学部
個別共同利用研究	15-308	ミジンコのゲノム編集基盤の確立	蛭田 千鶴江	岩手医科大学全学教育推進機構
個別共同利用研究	15-309	胎生真骨魚類の母仔間栄養供給における性ホルモンの役割を解析する	飯田 敦夫	京都大学再生医科学研究所
個別共同利用研究	15-310	ミネラルコルチコイド受容体ノックアウトメダカ及びステロイドホルモンの応答を可視化できるメダカから明かにするホルモンの本質的機能	坂本 浩隆	岡山大学大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	15-311	ネッタイツメガエルの生殖腺分化に対するアンドロゲン暴露の影響	高瀬 稔	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-312	低音環境下で生じる徐脈性不整脈の責任遺伝子の同定と変異体メダカの作出	三谷 啓志	東京大学大学院新領域創成科学研究科
個別共同利用研究	15-313	種内多様性を有する頭蓋顔面形態の遺伝学的解析	新屋 みのり	慶応義塾大学商学部生物学教室
個別共同利用研究	15-314	メダカ属の孵化酵素の至適塩濃度と生息環境への適応	川口 眞理	上智大学理工学部

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	15-315	大脳皮質発生時の網羅的細胞挙動可視化	宮田 卓樹	名古屋大学大学院医学系研究科
個別共同利用研究	15-316	2光子励起光シート顕微鏡のがんイメージングへの応用	大嶋 佑介	愛媛大学大学院医学系研究科
個別共同利用研究	15-317	機能性菌体外多糖の生合成に関するペプチドの解析	西村 順子	八戸工業大学工学部バイオ環境工学科
個別共同利用研究	15-318	送粉適応した花形質の進化:夜咲きの遺伝子基盤と進化過程の解明	矢原 徹一	九州大学大学院理学研究院
個別共同利用研究	15-319	発光魚キンメモドキとハダカイワシの発光形質に関わる遺伝子の同定	大場 裕一	名古屋大学大学院生命農学研究科
個別共同利用研究	15-320	アリ類の長期間にわたる大量の精子貯蔵メカニズムとその進化の解明	後藤 彩子	甲南大学理工学部
個別共同利用研究	15-321	植物と動物に共通の共生細菌維持機構の解明	内海 俊樹	鹿児島大学大学院理工学研究科
個別共同利用研究	15-322	フキバツタ亜科昆虫のゲノムサイズ推定と染色体レース判別に向けた細胞生物学的解析	立田 晴記	琉球大学農学部
個別共同利用研究	15-323	アフリカツメガエルの四肢再生の研究に対するIR-LEGOの適用	横山 仁	弘前大学農学生命科学部
個別共同利用研究	15-324	IR-LEGO法による、器官再生過程の細胞系譜長期追跡実験系の開発	田村 宏治	東北大学大学院生命科学研究所
個別共同利用研究	15-325	IR-LEGOを利用した分子シャペロン依存の極核融合過程の解析	西川 周一	新潟大学理学部
個別共同利用研究	15-326	光遺伝学を用いた、小脳機能的神経回路の形成機構の解析	津田 佐知子	埼玉大学研究機構研究企画推進室
個別共同利用研究	15-327	シロイヌナズナの根の伸長に対するオートファジーの影響	井上 悠子	埼玉大学大学院理工学研究科
個別共同利用研究	15-328	IR-LEGOを用いた局所的熱誘導系による補償作用メカニズムの解明	塚谷 裕一	東京大学大学院理学系研究科
個別共同利用研究	15-329	ナマコ神経系の発生の可視化と棘皮動物の五放射相称形成過程の解析	近藤 真理子	東京大学大学院理学系研究科附属臨海実験所
個別共同利用研究	15-330	R-Avr認識後の細胞間防御応答シグナルの解析	別役 重之	東京大学大学院理学系研究科
個別共同利用研究	15-331	IR-LEGO法を用いたメダカ脳の部分機能修飾法の確立	竹内 秀明	岡山大学大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	15-332	外部形態の背側化を制御するメダカ <i>zic1/zic4</i> の発現境界維持機構の解析	島田 敦子	東京大学大学院理学系研究科

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	15-333	植物プロセッシングボディーの局所ストレス下における解析	渡邊 雄一郎	東京大学大学院総合文化研究科
個別共同利用研究	15-334	霊長類大脳皮質ニューロンの樹状突起スパインの構造解析	一戸 紀孝	国立精神・神経医療研究センター神経研究所
個別共同利用研究	15-335	始原新口動物のボディプランに関する研究	倉石 立	慶応義塾大学文学部
個別共同利用研究	15-336	zmpste24遺伝子欠損メダカの解析	谷口 善仁	杏林大学医学部
個別共同利用研究	15-337	メダカの色素細胞をモデルとした細胞運命決定の分子メカニズムの解析	橋本 寿史	名古屋大学生物機能開発利用研究センター
個別共同利用研究	15-338	タンパク質架橋化酵素ファミリー遺伝子産物の生理的意義の解明	人見 清隆	名古屋大学大学院創薬科学研究科
個別共同利用研究	15-339	モデル小型魚類利用によるシアル酸代謝とその機能解明研究	北島 健	名古屋大学生物機能開発利用研究センター
個別共同利用研究	15-340	種子オルガネラの形成と分解の制御機構	林 誠	長浜バイオ大学バイオサイエンス学部バイオサイエンス学科
個別共同利用研究	15-341	光学的アプローチによる非侵襲的時期・空間特異的細胞除去法による細胞機能解析と生体内成長因子の動態解析	瀬原 淳子	京都大学再生医科学研究所
個別共同利用研究	15-342	メダカParkin遺伝子構造と発現の詳細な解析とConditional KO系統の樹立	木下 政人	京都大学大学院農学研究科
個別共同利用研究	15-343	温度感受性新規蛍光タンパク質とIR-LEGOを用いた細胞内温度計測システムの開発と細胞内外の微小環境制御	中野 雅裕	大阪大学産業科学研究所
個別共同利用研究	15-344	IR-LEGOと分子遺伝学を基盤とする植物の低温環境感覚の可視化への挑戦	古本 強	龍谷大学文学部
個別共同利用研究	15-345	2型糖尿病モデルメダカのためのモノクローナル抗体の作製	松山 誠	重井医学研究所分子遺伝部門
個別共同利用研究	15-346	IR-LEGOによるイモリの局所的誘導型Cre-loxP組換え系の構築	林 利憲	鳥取大学医学部
個別共同利用研究	15-347	アリアルスルファターゼのメダカ形態形成における機能解析	中坪 敬子	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-348	IR-LEGO技術を利用した“がんの初動メカニズム”の解析	石谷 太	九州大学生体防御医学研究所
個別共同利用研究	15-349	赤外レーザー顕微鏡を用いたメダカにおける温度依存的性決定機構の解析	北野 健	熊本大学大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	15-351	Torキナーゼとその標的因子の細胞内動態を介した細胞増殖の制御機構	松浦 彰	千葉大学大学院融合科学研究科

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	15-352	植物の代謝調節と効率的な物質生産機構の解明	中山 亨	東北大学大学院工学研究科バイオ工学専攻
個別共同利用研究	15-353	イネのビタミン要求変異株を用いた種子形成における胚と胚乳の相互作用の役割に関する解析	佐藤 豊	名古屋大学大学院生命農学研究科
個別共同利用研究	15-354	シロイヌナズナのペルオキシソーム形成変異体apem6の解析	森 仁志	名古屋大学大学院生命農学研究科
個別共同利用研究	15-355	RECOGとMAPLEシステムの融合による新たなメタゲノム解析手法の開発	高見 英人	海洋研究開発機構海底資源研究開発センター
個別共同利用研究	15-356	赤潮原因藻の遺伝子情報構築と機能解析技術の開発	紫加田 知幸	水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所
個別共同利用研究	15-357	Rhizobium radiobacter(syn.Agrobacterium tumefaciens)のゲノム分化と根頭癌腫病原性との相関に関する解析	鈴木 克周	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-358	ブドウ球菌属間のゲノム比較に関する研究	菅井 基行	広島大学大学院医歯薬保健学研究院細菌学
個別共同利用研究	15-359	イネにおけるDNA倍加の抑制機構	伊藤 正樹	名古屋大学大学院生命農学研究科
個別共同利用研究	15-360	種内多数近縁ゲノム比較による適応進化過程の解析	小林 一三	東京大学大学院新領域創成科学研究科
個別共同利用研究	15-361	DNA トランスポゾンによる優性変異体の解析と挿入領域の網羅的解析法の開発	前川 雅彦	岡山大学資源植物科学研究所
個別共同利用研究	15-362	褐虫藻と刺胞動物の共生成立と破綻に関わる遺伝子の解析	丸山 真一郎	東北大学大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	15-363	メダカ属における新規DNA型トランスポゾンalbatrossの進化	島田 敦子	東京大学大学院理学系研究科
個別共同利用研究	15-364	マウス雌性生殖腺の遺伝子発現に対する周生期性ホルモン投与の影響	佐藤 友美	横浜市立大学大学院生命ナノシステム科学研究科
個別共同利用研究	15-365	トゲウオ脂肪酸代謝能力の変異の遺伝基盤	北野 潤	情報システム研究機構国立遺伝学研究所
個別共同利用研究	15-366	ゼブラフィッシュ視神経損傷後に発現する再生関連分子に関する研究	杉谷 加代	金沢大学医薬保健研究域
個別共同利用研究	15-367	水頭/無脳症様の表現型を示すメダカ変異体の原因遺伝子の同定	殿山 泰弘	長浜バイオ大学バイオサイエンス学部
個別共同利用研究	15-368	魚類の視覚認知における情報処理過程の解析	細川 浩	京都大学大学院情報学研究科
個別共同利用研究	15-369	実用珪藻キートセラスの比較ゲノム解析とゲノムデータベースの構築	伊福 健太郎	京都大学大学院生命科学研究科

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	15-370	オオミジンコの性決定臨界期における遺伝子発現の網羅的解析	加藤 泰彦	大阪大学大学院工学研究科
個別共同利用研究	15-371	メダカ初期胚を用いた教材の開発	中村 依子	愛媛大学教育学部
個別共同利用研究	15-372	シロイヌナズナCY01遺伝子高発現によるStay-green化の解析	島田 裕士	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-373	バーチャルリアリティー映像技術による放流魚の捕食回避行動学習法の開発	征矢野 清	長崎大学大学院水産・環境科学総合研究科
個別共同利用研究	15-374	開花関連遺伝子LjEMF2とLjE1がミヤコグサ(マメ科)の開花所要日数に及ぼす影響の評価	瀬戸口 浩彰	京都大学大学院人間・環境学研究科
個別共同利用研究	15-375	軸策性リボソームのライブイメージング	荒木 功人	岩手大学工学部
個別共同利用研究	15-376	世代交代を司る転写因子の細胞内相互作用の解析	西山 智明	金沢大学学際科学実験センター
個別共同利用研究	15-377	ミジンコを使用した新規環境モニタリング手法の確立	宮川 一志	宇都宮大学バイオサイエンス教育研究センター
個別共同利用研究	15-378	イネDPD1遺伝子にnDartが挿入された株の単離と解析	坂本 亘	岡山大学資源植物科学研究所
個別共同利用研究	15-379	アフリカツメガエル発生・再生過程における核内構造変化の解析	鈴木 賢一	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-380	新生児期化学物質暴露による甲状腺ホルモン系攪乱作用の分子機構の解明	藤本 成明	広島大学原爆放射線医科学研究所
個別共同利用研究	15-381	根粒形成および茎頂分裂組織維持の遺伝的制御機構の解析	寿崎 拓哉	筑波大学生命環境系
個別共同利用研究	15-382	透過型電子顕微鏡を用いた根粒内部構造の観察	寿崎 拓哉	筑波大学生命環境系
個別共同利用研究	15-383	両生類の前腎再生過程での遺伝子破壊を目的としたIR-LEGOの適用	越智 陽城	山形大学医学部
個別共同利用研究	15-384	ゼノパス脊髄における細胞新生を担う細胞の証明	北田 容章	東北大学大学院医学系研究科
個別共同利用研究	15-385	カワカイメン骨片骨格形成及び芽球形形成過程の細胞レベルでの解析	船山 典子	京都大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	15-386	体細胞を用いた棘皮動物のゲノムサイズ測定法の確立	入江 直樹	東京大学大学院理学系研究科
個別共同利用研究	15-387	Xiphophorus 属の魚類の性決定機構の解明を目指したゲノムfosmidライブラリの構築	近藤 真理子	東京大学大学院理学系研究科附属臨海実験所

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	15-388	植物における細胞骨格と代謝に関する研究	濱田 隆宏	東京大学大学院総合文化研究科
個別共同利用研究	15-389	Development and application of the system of Fighting Fish into a variety of medical care by understanding the behavior and disease in terms of gene expression and proteomics	岡田 典弘	国立成功大学生命科学系
個別共同利用研究	15-390	味覚依存的な行動を規定する神経内分泌系の解析	藍原 祥子	神戸大学大学院農学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-401	神経上皮組織動態の定量的解析法の確立	宮田 卓樹	名古屋大学大学院医学系研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-402	細胞収縮力可視化技術の開発	出口 真次	名古屋工業大学大学院工学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-403	上皮性管構造の構築原理の解明を目的とした新規の画像処理・解析手法の開発研究	鈴木 誠	自然科学研究機構基礎生物学研究所
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-404	3Dイメージ解析を用いた細胞キラリティの形成機構	松野 健治	大阪大学大学院理学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-406	生後マウス脳における新生ニューロンの移動方向推定に向けた新規解析手法の開発	根本 知己	北海道大学電子科学研究所
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-407	皮膚組織における色素細胞(黒・黄・白)の自動抽出による体色定量法の開発	深町 昌司	日本女子大学理学部
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-408	家族性拡張型心筋症モデルの心筋における構造・機能相関の検討	呉林 なごみ	順天堂大学医学部
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-409	電子顕微鏡連続断面画像を用いた細胞内膜性オルガネラの半自動的解析手法の開発	大野 伸彦	山梨大学大学院総合研究部医学域
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-410	ショウジョウバエ始原生殖細胞の定量的画像解析法の確立	林 良樹	筑波大学生命領域学際研究センター
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-411	植物細胞内構造物の定量化の試み	真野 昌二	自然科学研究機構基礎生物学研究所
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-412	前軟骨凝集塊の核間距離の解析	鈴木 孝幸	名古屋大学大学院理学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-413	植物細胞の小胞体を中心とした内膜系構造の画像処理による定量解析	西村 いくこ	京都大学大学院理学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-414	X線マイクロCTの3D画像からの植物種子を構成する細胞と間隙の抽出法の検討	峰雪 芳宣	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
生物画像処理・解析 共同利用研究	15-415	共焦点顕微鏡3次元像の焦点深度依存ボケ復元手法の開発	寺西 大	広島工業大学情報学部
研究会	15-501	物理学は生物現象の謎を解けるか	佐野 雅己	東京大学大学院理学系研究科

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
研究会	15-502	次世代両生類研究会	鈴木 賢一	広島大学大学院理学研究科
研究会	15-503	ユニークな少数派実験動物を扱う若手が最先端アプローチを勉強する会	飯田 敦夫	京都大学再生医科学研究所
研究会	15-504	プロテインホスファターゼ研究の現状と将来	野田 昌晴	自然科学研究機構基礎生物学研究所
研究会	15-505	幹細胞の基本原則と特異性～植物と動物の比較から～	梅田 正明	奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科
研究会	15-506	水生動物を用いたヒト疾患モデル・Toxicologyに関する国際シンポジウム	成瀬 清	自然科学研究機構基礎生物学研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-601	マウス皮膚における紫外線誘発突然変異の作用スペクトル解析:皮膚特異的変異誘発抑制応答の機構解明	池畑 広伸	東北大学大学院医学系研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-602	メダカの交尾前生殖隔離行動に必要なスペクトル情報の取得	深町 昌司	日本女子大学理学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-603	エダアシクラゲの配偶子放出を誘起する光刺激に関わる遺伝子の解析	立花 和則	東京工業大学バイオ研究基盤支援総合センター
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-604	南極の気生緑藻 <i>Prasiola crispa</i> の光合成の波長依存特性	小池 裕幸	中央大学理工学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-605	シアノバクテリアの光色応答の解析	広瀬 侑	豊橋技術科学大学環境生命工学系
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-606	構造用複合材料における光劣化メカニズムIV	永田 謙二	名古屋工業大学大学院工学研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-607	紫外線単独、ならびに化学物質共存下での突然変異・DNA損傷誘起に関する研究	有元 佐賀恵	岡山大学大学院医歯薬学総合研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-608	有害赤潮鞭毛藻類における走光性の作用スペクトル取得	紫加田 知幸	水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-609	effect of photoreceptors on photoprotection in microalgae	FINAZZI, Giovanni	CEA Grenoble(France)
大型スペクトログラフ共同利用実験	15-610	サンゴに共生する褐虫藻の走行性の特性と意義	高橋 俊一	自然科学研究機構基礎生物学研究所
DSLMI共同利用実験	15-701	DSLMIによる血管形成過程の形態学的解析	木村 英二	岩手医科大学医学部
DSLMI共同利用実験	15-702	DSLMIによるメダカ終脳の3D細胞系譜解析	竹内 秀明	東京大学大学院理学系研究科
DSLMI共同利用実験	15-703	デジタルスキャン光シート顕微鏡を用いた透明化生体試料の深部観察	小野寺 宏	東京大学大学院工学系研究科

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
DSLML共同利用実験	15-704	光シート顕微鏡における電気式焦点可変レンズ制御系構築及び評価	広井 賀子	慶応義塾大学理工学部
DSLML共同利用実験	15-705	3次元組織工学・3次元生体材料の3次元観測の基礎実験(DSLMによる3次元観測とその発展を探る)	中村 真人	富山大学大学院理工学研究部
DSLML共同利用実験	15-706	ゼブラフィッシュ胚における分化誘導シグナルの時間変化の解析	近藤 晶子	藤田保健衛生大学総合医科学研究所
DSLML共同利用実験	15-707	海産甲殻類ウミクワガタ科における大顎の内部構造の解明	楠岡 泰	滋賀県立琵琶湖博物館水域生態学研究室
DSLML共同利用実験	15-708	マウス胚の頭尾パターンニングにおける細胞移動の観察	高岡 勝吉	大阪大学大学院生命機能研究科
DSLML共同利用実験	15-709	アメーバ運動に伴う細胞膜のダイナミクス	園部 誠司	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
DSLML共同利用実験	15-710	細胞を遊走させるストレスファイバの回転の直接観察	岩楯 好昭	山口大学大学院医学系研究科
DSLML共同利用実験	15-711	ゼブラフィッシュ網膜における錐体視細胞の規則的格子状配置パターンの形成機構	政井 一郎	沖縄科学技術大学院大学神経発生ユニット
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-801	カメムシ類における共生器官形態形成に関わる遺伝的基盤の解明	菊池 義智	産業技術総合研究所生物プロセス研究部門
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-802	プラナリア <i>Dugesia ryukyuensis</i> における有性化機構の解明	小林 一也	弘前大学農学生命科学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-803	半翅目昆虫と共生細菌の相互作用に関する網羅的遺伝子発現解析	深津 武馬	産業技術総合研究所生物プロセス研究部門
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-804	非モデル海産生物を用いた鞭毛繊毛多様化機構の基盤情報の取得	稲葉 一男	筑波大学下田臨海実験センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-805	ラン科植物における菌従属栄養性の獲得に関与する遺伝子群の探索	大和 政秀	千葉大学教育学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-806	冬眠可能状態を規定する遺伝子発現状態の記述	山口 良文	東京大学大学院薬学系研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-807	クラミドモナスの新奇走光性・運動性異常突然変異株の解析	若林 憲一	東京工業大学資源化学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-808	サケ科魚類における寿命制御機構の解析	吉崎 悟朗	東京海洋大学大学院海洋科学技術研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-809	ショウジョウバエ種群における精子形成機構の遺伝的多様性の解析	佐藤 玄	杏林大学医学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-810	温帯性および亜熱帯性植物の適応分化と遺伝子流動に関する研究	三村 真紀子	玉川大学農学部

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-811	地衣類共生系の確立に必要な遺伝子発現の網羅的探索	颯田 葉子	総合研究大学院大学先導科学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-812	女王蜂における寿命制御機構の解明	鎌倉 昌樹	富山県立大学工学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-813	マウス精子幹細胞の遺伝子発現とゲノム配列の多様性の解明	吉田 松生	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-814	生物進化の分子機構の解明	玉田 洋介	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-815	ヒトを含めた霊長類の脳における遺伝子発現解析およびメチル化解析	郷 康広	自然科学研究機構新分野創成センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-816	昆虫新奇形質の形成メカニズムの解明	新美 輝幸	名古屋大学大学院生命農学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-817	In vivo ビオチン化転写因子を用いた、汎用性と定量性をもったChIP-Seq解析法の確立	近藤 寿人	京都産業大学総合生命科学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-818	植物の低温感受の分子機構を新規PIF4分解不全変異体から解析する	古本 強	龍谷大学文学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-819	植物の生殖器官で発現する遺伝子の解析	村瀬 浩司	奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-820	サイトカニンシグナルの制御を介した植物の器官形成機構の解明	奥島 葉子	奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-821	ショウジョウバエの力応答遺伝子のRNA-seq法を用いた探索	松野 健治	大阪大学大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-822	腎ポドサイトに発現するノンコーディングRNAの網羅的プロファイリング	石橋 幸	大阪府立大学大学院生命環境科学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-823	ゼニゴケ全ゲノム情報を基盤とした基部植物発生制御機構の解析	石崎 公庸	神戸大学大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-824	クロオオアリの社会鼓動の分子基盤研究のためのゲノムおよびRNA-seq解析	尾崎 まみこ	神戸大学大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-825	モデル生物化と寄生的菌根共生システムの解明を目指したラン科植物シランのトランスクリプトーム解析	上中 弘典	鳥取大学農学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-826	チャの遺伝的多様性を育種に活用するための大規模DNAマーカー開発	荻野 暁子	農業・食品産業技術総合研究機構野菜茶業研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-827	脳の左右を決める遺伝子の同定	重本 隆一	IST Austria
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-828	筋肉由来細胞株の形態変化におけるAMP activated protein kinaseの役割	箕越 靖彦	自然科学研究機構生理学研究所

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-829	スギの全ゲノム配列の解読	上野 真義	森林総合研究所森林遺伝研究領域
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-830	トランスクリプトーム解析によるヒドラ生殖幹細胞の特質の解明	小林 悟	筑波大学生命領域学際研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-831	次世代DNAシーケンサーによる精神神経疾患の遺伝子解析	瀬藤 光利	浜松医科大学解剖学講座
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-832	RNA-seqによる季節繁殖の制御機構の解明	吉村 崇	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-833	RADシーケンスを用いたウズラ遺伝連鎖地図の作製と突然変異遺伝子の同定	松田 洋一	名古屋大学大学院生命農学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-834	日本産ミヤコグサの開花時期制御の種内多型に関わる遺伝的背景の解明	瀬戸口 浩彰	京都大学大学院人間・環境学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-835	ミズタマシヨウジョウバエ模様形成因子の探索	越川 滋行	京都大学大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-836	ミドリゾウリムシとクロレラの二次共生成立機構解明のためのトランスクリプトーム解析	藤島 政博	山口大学大学院理工学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-837	潮汐リズム環境下におけるマングローブの概日リズム制御	渡辺 信	琉球大学熱帯生物圏研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-838	爬虫類及び甲殻類を用いた環境性性決定のメカニズム解析	井口 泰泉	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-839	メダカ生殖細胞で発現する small RNA の網羅的解析	田中 実	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-840	アーバスキュラー菌根菌における宿主依存的な孢子形成制御機構の解明	川口 正代司	自然科学研究機構基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-841	極限環境生物のゲノム・トランスクリプトーム解析	黄川田 隆洋	農業生物資源研究所遺伝子組換え研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-842	植物寄生センチュウの病原性機構の解明	白須 賢	理化学研究所環境資源科学研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-843	Vigna属野生種の全ゲノム解読	内藤 健	農業生物資源研究所遺伝資源センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-844	マウス始原生殖細胞におけるRNA結合タンパク質Dead end 1の機能解析	鈴木 敦	横浜国立大学大学院工学研究院
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-845	腸神経サブタイプを特異化する発生時・分化後の遺伝子コードのトランスクリプトームによる解明	二階堂 昌孝	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	15-846	植物と放線菌の相互作用に関わる二次代謝関連遺伝子の解析	白須 賢	理化学研究所環境資源科学研究センター

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
トレーニングコース 実習室	15-901	2015メダカベアシートトレーニングコース	亀井 保博	自然科学研究機構基礎生物学研究所