

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
重点共同利用研究	16-101	視覚・色覚による個体識別と求愛行動の分子メカニズム解明を目指して	深町 昌司	日本女子大学理学部
重点共同利用研究	16-102	microRNAの始原機能を探る～次世代シーケンサーによる単細胞真核生物のmiRNA機能解析～	山崎 朋人	自然科学研究機構基礎生物学研究所
モデル生物・技術開発共同利用研究	16-204	社会組織化の分子機構とその進化過程解明のモデル昆虫「シロアリ」のゲノム科学的研究基盤の構築	三浦 徹	北海道大学大学院地球環境科学研究院
モデル生物・技術開発共同利用研究	16-205	ホタルの全ゲノム解析による発光形質の分子機能・発生・生態・進化の理解と、国際なホタルゲノムコミュニティの形成	大場 裕一	中部大学応用生物学部
個別共同利用研究	16-301	マイクロインジェクション法を用いた植物細胞クロマチン動態変化の解析	松永 幸大	東京理科大学理工学部
個別共同利用研究	16-302	植物細胞内温度イメージング法の確立	稲田 のりこ	東京大学大学院理学系研究科
個別共同利用研究	16-303	根粒形成の制御機構および窒素栄養の情報処理機構の解析	寿崎 拓哉	筑波大学生命環境系
個別共同利用研究	16-304	根粒菌からの宿主由来タンパク質注入による宿主機能局所的改変系の開発	佐伯 和彦	奈良女子大学大学院自然科学系
個別共同利用研究	16-305	マメ科植物根粒共生系の機能強化に関する研究	内海 俊樹	鹿児島大学大学院理工学研究科
個別共同利用研究	16-306	開花関連遺伝子LJEMF2とLJE1がミヤコグサ(マメ科)の開花所要日数に及ぼす影響の評価	瀬戸口 浩彰	京都大学大学院人間・環境学研究科
個別共同利用研究	16-307	カイコ分散型動原体を構成するタンパク質の同定	日下部 宜宏	九州大学大学院農学研究院
個別共同利用研究	16-308	メダカ属の孵化酵素の至適塩濃度と生息環境への適応	川口 眞理	上智大学理工学部
個別共同利用研究	16-309	種内多様性を有する頭蓋顔面形態の遺伝学的解析	新屋 みのり	慶應義塾大学商学部生物学教室
個別共同利用研究	16-310	ゲノム編集技術を用いたメダカ近縁種におけるcypla遺伝子の破壊	木下 政人	京都大学大学院農学研究科
個別共同利用研究	16-311	小型モデル魚と養殖魚を用いた魚類生体防御に関する共通機構の理解と感染初期マーカーの探索	太田 耕平	九州大学大学院農学研究院
個別共同利用研究	16-312	マウスノド繊毛のカルシウム動態の観察	濱田 博司	理化学研究所多細胞システム形成研究センター
個別共同利用研究	16-313	クロマチン構造の超解像イメージング	渡邊 朋信	理化学研究所生命システム研究センター
個別共同利用研究	16-314	バーチャルリアリティー映像技術による放流魚の捕食回避行動学習法の開発	征矢野 清	長崎大学大学院水産・環境科学総合研究科
個別共同利用研究	16-315	カメムシの腸内共生器官において発現する新規分泌タンパク質の機能解明	菊池 義智	産業技術総合研究所生物プロセス研究部門
個別共同利用研究	16-317	植物と動物に共通の共生細菌維持機構の解明	内海 俊樹	鹿児島大学大学院理工学研究科
個別共同利用研究	16-318	魚類変態におけるメダカthyroglobulinの機能に関する研究	横井 勇人	東北大学大学院農学研究科
個別共同利用研究	16-319	植物の代謝調節と効率的な物質生産機構の解明	中山 亨	東北大学大学院工学研究科バイオ工学専攻
個別共同利用研究	16-320	シロイヌナズナ根端およびヒメツリガネゴケ原系体のオートファジー機構の解析	井上 悠子	埼玉大学大学院理工学研究科
個別共同利用研究	16-321	R-Avr認識後の細胞間防御応答シグナルの解析	別役 重之	筑波大学生命環境系

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
個別共同利用研究	16-322	ナマコ神経系の発生の可視化の試み	近藤 真理子	東京大学大学院理学系研究科附属臨海実験所
個別共同利用研究	16-323	タンパク質架橋化酵素に関する病態モデルのメダカを用いた解析	人見 清隆	名古屋大学大学院創薬科学研究科
個別共同利用研究	16-324	モデル小型魚類利用によるシアル酸代謝とその機能解明研究	北島 健	名古屋大学生物機能開発利用研究センター
個別共同利用研究	16-325	イネ体細胞におけるDNA倍数性の抑制機構	伊藤 正樹	名古屋大学大学院生命農学研究科
個別共同利用研究	16-326	味覚依存的な行動を規定する神経内分泌系の解析	藍原 祥子	神戸大学大学院農学研究科
個別共同利用研究	16-327	2型糖尿病モデルメダカのためのモノクローナル抗体の作製	松山 誠	重井医学研究所分子遺伝部門
個別共同利用研究	16-328	DNAトランスポゾンによる新規変異体の解析と挿入領域の網羅的解析法の開発	前川 雅彦	岡山大学資源植物科学研究所
個別共同利用研究	16-329	シロイヌナズナCY01遺伝子高発現によるStay-green化の解析	島田 裕士	広島大学大学院理学研究科
個別共同利用研究	16-330	葉緑体光定位運動を制御するCHUP1を改変したシロイヌナズナの強光下での生育評価	孔 三根	Kongju National University
個別共同利用研究	16-331	赤外レーザー顕微鏡を用いたメダカにおける温度依存的性決定機構の解析	北野 健	熊本大学大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	16-332	ゼブラフィッシュ視神経損傷モデルを使った再生関連分子の発現機構について	杉谷 加代	金沢大学医薬保健研究域
個別共同利用研究	16-333	PDHおよびOGDHと酸化電子伝達系分子との超複合体形成の	島田 友裕	東京工業大学科学技術創成研究院
個別共同利用研究	16-334	単細胞藻類における環境変動に応じた光合成特性に関する表現型解析	丸山 真一郎	東北大学大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	16-335	ヒトiPS細胞由来のNCSC(Neural Crest Stem Cell)の維持培養系の確立	豊岡 やよい	京都大学iPS細胞研究所
個別共同利用研究	16-336	植物の非光合成組織におけるオルガネラCO2代謝	田野井 慶太郎	東京大学大学院農学生命科学研究科
個別共同利用研究	16-337	高等植物における低温環境応答性分子基盤研究	河村 幸男	岩手大学農学部
個別共同利用研究	16-338	リンゴ休眠芽の低温要求性に関与するFLC遺伝子のChIP解析	山根 久代	京都大学大学院農学研究科
個別共同利用研究	16-339	植物RAB5のエフェクターを介した機能発現メカニズムに関する研	伊藤 瑛海	国際基督教大学自然科学部門
個別共同利用研究	16-340	精子幹細胞分化におけるヒストンメチル化酵素分子の機能解析	大保 和之	横浜市立大学医学部
個別共同利用研究	16-341	シロイヌナズナの種子内発現系を用いたグロビン蛋白質の合成とその機能構造解析	中川 太郎	長浜バイオ大学バイオサイエンス学部
個別共同利用研究	16-342	水頭/無脳症様の表現型を示すメダカ変異体の原因遺伝子の同定	殿山 泰弘	慶應義塾大学先端研究センター
個別共同利用研究	16-343	マメ科植物根粒共生系の脂質代謝に関する研究	今井 博之	甲南大学理工学部
個別共同利用研究	16-344	体色変異メダカを用いたNF1(neurofibromatosis type1)発症シグナル経路の解明	國仲 慎治	慶應義塾大学先端医学研究所
個別共同利用研究	16-345	アンドロゲン受容体の魚類二次性徴発現および繁殖行動に果たす役割の解明	荻野 由紀子	九州大学大学院農学研究院
個別共同利用研究	16-346	ゼニゴケクラス11ミオシンの機能解析	伊藤 光二	千葉大学大学院融合科学研究科
個別共同利用研究	16-347	メダカを用いた新規精巢毒性評価系の構築	杉山 晶彦	鳥取大学農学部

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合ゲノミクス共同利用研究	16-401	プラナリア <i>Dugesia ryukyuensis</i> における有性化機構の解明	小林 一也	弘前大学農学生命科学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-402	半翅目昆虫と共生細菌の相互作用に関する網羅的遺伝子発現解析	深津 武馬	産業技術総合研究所生物プロセス研究部門
統合ゲノミクス共同利用研究	16-403	スギの全ゲノム配列の解読	上野 真義	森林総合研究所森林遺伝研究領域
統合ゲノミクス共同利用研究	16-404	非モデル海産生物を用いた鞭毛繊毛多様化機構の基盤情報の取得	稲葉 一男	筑波大学下田臨海実験センター
統合ゲノミクス共同利用研究	16-405	極限環境生物の統合ゲノミクス解析	黄川田 隆洋	農業・食品産業技術総合研究機構生物機能利用研究部門
統合ゲノミクス共同利用研究	16-406	サケ科魚類における繁殖様式依存的な精原幹細胞の動態制御機構の解析	吉崎 悟朗	東京海洋大学大学院海洋科学技術研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-407	アフリカツメガエルの異質四倍体化機構の解析とゲノム情報の活用	平良 眞規	東京大学大学院理学系研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-408	冬眠可能状態を規定する遺伝子発現の誘導シグナル同定と解析	山口 良文	東京大学大学院薬学系研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-409	アキノキリンソウ群(キク科)の生態ゲノム学的研究	伊藤 元己	東京大学大学院総合文化研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-410	ショウジョウバエ種群における精子形成機構と脳神経系の発生機構の遺伝的多様性の解析	佐藤 玄	杏林大学医学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-411	温帯性および亜熱帯性植物の適応分化と遺伝子流動に関する研究	三村 真紀子	玉川大学農学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-412	根、及び根圏における植物-微生物相互作用の分子機構の解明	白須 賢	理化学研究所環境資源科学研究センター
統合ゲノミクス共同利用研究	16-413	クラミドモナス新奇走光性・運動性異常突然変異株のmapping-free遺伝子同定に向けて	若林 憲一	東京工業大学資源化学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-414	マウス始原生殖細胞におけるRNA結合タンパク質Dead end 1の機能解析	鈴木 敦	横浜国立大学大学院工学研究院
統合ゲノミクス共同利用研究	16-415	地衣類共生系の確立に必要な遺伝子発現の網羅的探索	颯田 葉子	総合研究大学院大学先導科学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-416	女王蜂における寿命制御機構の解明	鎌倉 昌樹	富山県立大学工学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-417	ショートリードシーケンサーによる解析が困難な藻類のゲノム解析	広瀬 侑	豊橋技術科学大学環境生命工学系
統合ゲノミクス共同利用研究	16-418	アーバスキュラー菌根菌における、宿主依存的な胞子形成制御機構の解明	川口 正代司	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-419	生物進化の分子機構の解明	長谷部 光泰	自然科学研究機構基礎生物学研究所

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合ゲノミクス共同利用研究	16-420	DNAトランスポゾンを用いた逆遺伝学的手法によるイネ遺伝子破壊系統の構築	梶根 一夫	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-422	RADシーケンスを用いたウズラ遺伝連鎖地図の作製と突然変異遺伝子の同定	松田 洋一	名古屋大学大学院生命農学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-423	サイトカニンシグナルの制御を介した植物の器官形成機構の解明	梅田 正明	奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-424	植物の生殖器官で発現する遺伝子の解析	村瀬 浩司	奈良先端科学技術大学院大学バイオサイエンス研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-425	ゼニコケゲノム情報を基盤とする植物発生制御機構の解析	河内 孝之	京都大学大学院生命科学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-426	ミズタマショウジョウバエ模様形成因子の探索	越川 滋行	京都大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-427	日本産ミヤコグサの開花時期制御の種内多型に関わる遺伝的背景の解明	瀬戸口 浩彰	京都大学大学院人間・環境学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-428	全ゲノム情報の解読によるショウジョウバエ narigoma 突然変異の責任遺伝子の同定	松野 健治	大阪大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-429	クロオオアリの社会行動の分子基盤研究のためのバイオインフォマティクス	尾崎 まみこ	神戸大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-430	ラン科植物シランを用いた寄生的菌根共生システムの解明	上中 弘典	鳥取大学農学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-431	発生時・分化後に腸神経サブタイプを特異化する遺伝子コードのトランスクリプトームによる解明	二階堂 昌孝	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-432	ミドリゾウリムシとクロレラの二次共生成立機構解明のためのトランスクリプトーム解析	藤島 政博	山口大学創成科学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-433	チャの遺伝的多様性を育種に活用するための大規模DNAマーカー開発	荻野 暁子	農業・食品産業技術総合研究機構野菜茶業研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-434	潮汐リズム環境下におけるマングローブの概日リズム制御	渡辺 信	琉球大学熱帯生物圏研究センター
統合ゲノミクス共同利用研究	16-435	脳の左右を決める遺伝子の同定	重本 隆一	IST Austria
統合ゲノミクス共同利用研究	16-436	機能モジュールと比較ゲノム解析に基づく代替パスウェイ探索法の開発	高見 英人	海洋研究開発機構海底資源研究開発センター
統合ゲノミクス共同利用研究	16-437	実用珪藻キートセラスの比較ゲノム解析とゲノムデータベースの構築	伊福 健太郎	京都大学大学院生命科学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-438	オオミジンコの性決定臨界期における遺伝子発現の網羅的解析	加藤 泰彦	大阪大学大学院工学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-439	ブドウ球菌属間のゲノム比較に関する研究	菅井 基行	広島大学大学院医歯薬保健学研究院細菌学

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合ゲノミクス共同利用研究	16-440	Rhizobium radiobacter(syn.Agrobacterium tumefaciens)のゲノム分化と根頭癌腫病原性との相関に関する解析	鈴木 克周	広島大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-441	有害赤潮原因藻の遺伝子情報収集と機能解析	紫加田 知幸	水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-442	次世代DNAシーケンサーによる精神神経疾患の遺伝子解析	瀬藤 光利	浜松医科大学解剖学講座
統合ゲノミクス共同利用研究	16-443	異なる染色体レース間に見られる遺伝構造: サッポロフキバツタを用いた解析	立田 晴記	琉球大学農学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-444	植物の発生事象に重要な代謝システム制御の解明	川出 健介	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-445	ゲノム・トランスクリプトーム解析に基づく昆虫-細菌間「融合型防衛共生系」の基盤研究	中鉢 淳	豊橋技術科学大学エレクトロニクス先端融合研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-446	p53誘導性プロテインホスファターゼPPM1Dおよびそのファミリーの機能解明	坂口 和靖	北海道大学大学院理学研究院
統合ゲノミクス共同利用研究	16-447	ベタを用いた闘争行動における分子機構の解明	岡田 典弘	国立成功大学生命科学系
統合ゲノミクス共同利用研究	16-448	マウス精子幹細胞の遺伝子発現とゲノム配列の多様性の解明	吉田 松生	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-449	ゼノパスの四肢再生と皮膚再生で発現する遺伝子の網羅的解析	横山 仁	弘前大学農学生命科学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-450	送粉適応した花形質の進化: 夜咲きの遺伝子基盤と進化過程の解明	矢原 徹一	九州大学大学院理学研究院
統合ゲノミクス共同利用研究	16-451	爬虫類における温度依存型性決定のメカニズム解析	宮川 信一	和歌山県立医科大学先端医学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-452	昆虫新奇形質の形成メカニズムの解明	新美 輝幸	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-453	クロマチン構造のシーケンス解析	宮成 悠介	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-454	アリ類の新奇カーストの分化決定を司る遺伝的基盤の解明	宮崎 智史	玉川大学農学部
統合ゲノミクス共同利用研究	16-455	メダカ生殖細胞性決定に関する遺伝子の網羅的解析	田中 実	名古屋大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-456	咽頭嚢分節機構の解明を目指した内胚葉細胞の比較トランスクリプトーム解析	高田 慎治	自然科学研究機構基礎生物学研究所
統合ゲノミクス共同利用研究	16-457	マメ科植物が窒素固定しないcheating根粒菌を排除するメカニズムの解明	中川 知己	名古屋大学大学院理学研究科
統合ゲノミクス共同利用研究	16-458	新規のモデル両生類イペリアトゲイモリの遺伝情報整備に向けたRNAシーケンス	林 利憲	鳥取大学医学部

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合ゲノミクス共同利用研究	16-459	ショウジョウバエ生殖系列のゲノムメチル化領域の特定およびメチオン代謝の影響の解明	林 良樹	筑波大学生命領域学際研究センター
統合ゲノミクス共同利用研究	16-460	ヒトを含めた霊長類の脳における遺伝子発現解析およびエピゲノム解析	郷 康広	自然科学研究機構新分野創成センター
統合イメージング共同利用研究	16-501	DSLMを用いたマウス初期胚における血管形成過程の形態学的解析	木村 英二	岩手医科大学医学部
統合イメージング共同利用研究	16-502	光シート顕微鏡における電気式焦点可変レンズ制御系構築及び評価	広井 賀子	慶應義塾大学理工学部
統合イメージング共同利用研究	16-503	マウス繊毛運動のカルシウム依存的調節機構の解明	稲葉 一男	筑波大学下田臨海実験センター
統合イメージング共同利用研究	16-504	マウス大脳半球原基の接線方向細胞流	宮田 卓樹	名古屋大学大学院医学系研究科
統合イメージング共同利用研究	16-505	ボルボックス目の遊泳の最先端3次元イメージング	上野 裕則	愛知教育大学教育学部
統合イメージング共同利用研究	16-506	光シート型顕微鏡によるカワカイメン骨片骨格形成機構の4次元的な解析	船山 典子	京都大学大学院理学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-507	海産甲殻類ウミクワガタ科における大顎の内部構造の解明	太田 悠造	鳥取県立博物館
統合イメージング共同利用研究	16-508	細胞を遊走させるストレスファイバの回転の直接観察	岩楯 好昭	山口大学大学院医学系研究科
統合イメージング共同利用研究	16-509	アフリカツメガエルの四肢再生の研究に対するIR-LEGOの適用	横山 仁	弘前大学農学生命科学部
統合イメージング共同利用研究	16-510	両生類における再生腎管の高次構造化過程のイメージング	越智 陽城	山形大学医学部
統合イメージング共同利用研究	16-511	Xenopus脊髄の細胞新生を担う細胞の証明	北田 容章	東北大学大学院医学系研究科
統合イメージング共同利用研究	16-512	IR-LEGOによる雌性配偶体特異的遺伝子発現系を用いたシロイヌナズナの極核融合の解析	西川 周一	新潟大学理学部
統合イメージング共同利用研究	16-513	IR-LEGOを用いた局所的熱ショックによる細胞標識と細胞系譜の追跡	長谷部 孝	日本医科大学
統合イメージング共同利用研究	16-514	LR-LEGOを用いた小脳神経回路の形成機構の解析	津田 佐知子	埼玉大学研究機構研究企画推進室
統合イメージング共同利用研究	16-515	始原新口動物のボディプランに関する研究	清本 正人	お茶の水女子大学湾岸生物教育研究センター
統合イメージング共同利用研究	16-516	IR-LEGOを用いたシロイヌナズナの葉における細胞間移動シグナルの解析	塚谷 裕一	東京大学大学院理学系研究科
統合イメージング共同利用研究	16-517	IR-LEGOを用いた植物ストレス顆粒形成機構の解明	濱田 隆宏	東京大学大学院総合文化研究科

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合イメージング共同利用研究	16-518	霊長類大脳皮質ニューロンの樹状突起スパイン構造の領野間比較	一戸 紀孝	国立精神・神経医療研究センター神経研究所 微細構造研究部
統合イメージング共同利用研究	16-519	酵素発生型光合成に保存されている機能未知因子のシロイヌナズナ変異体の解析	増田 真二	東京工業大学バイオ研究基盤支援総合センター
統合イメージング共同利用研究	16-520	温度感受性新規蛍光タンパク質とIR-LEGOを用いた細胞内温度計測システムの開発と細胞内外の微小環境制御	中野 雅裕	大阪大学産業科学研究所
統合イメージング共同利用研究	16-521	肢芽再生過程の細胞系譜追跡を長期かつマクロレベルで行うためのIR-LEGO実験系の開発	森下 喜弘	理化学研究所生命システム研究センター
統合イメージング共同利用研究	16-522	IR-LEGOを用いたメダカ外套の細胞系譜の人工操作系及びDSLMMを用いた神経活動可視化法の確立	竹内 秀明	岡山大学大学院自然科学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-523	有尾両生類(イモリ・メキシコサラマンダー)四肢再生時における細胞系譜追跡を解析するイメージング技術の検討	佐藤 伸	岡山大学異分野融合先端研究コア
統合イメージング共同利用研究	16-524	イモリ再生組織における細胞の動態追跡を可能とするための、IR-LEGOとCre-loxP組換えを利用した局所的かつ永続的細胞レベル法の確立	林 利憲	鳥取大学医学部
統合イメージング共同利用研究	16-525	IR-LEGO技術を利用した“がんの初動メカニズム”の解析	石谷 太	九州大学生体防御医学研究所
統合イメージング共同利用研究	16-526	神経上皮組織動態の定量的解析法の確立	宮田 卓樹	名古屋大学大学院医学系研究科
統合イメージング共同利用研究	16-527	細胞収縮力可視化技術の開発	出口 真次	大阪大学大学院基礎工学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-528	3Dイメージ解析を用いた細胞キラリシティの形成機構	松野 健治	大阪大学大学院理学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-529	動物上皮細胞組織における細胞競合の画像解析	藤本 仰一	大阪大学大学院理学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-530	新生ニューロンや基底細胞のイントラバイタルイメージングに向けた新規画像解析法の開発	根本 知己	北海道大学電子科学研究所
統合イメージング共同利用研究	16-531	ショウジョウバエ始原生殖細胞の定量的画像解析法の確立	林 良樹	筑波大学生命領域学際研究センター
統合イメージング共同利用研究	16-532	電子顕微鏡連続断面画像を用いた細胞内膜性オルガネラの半自動的解析手法の開発	大野 伸彦	自然科学研究機構生理学研究所
統合イメージング共同利用研究	16-533	種子のマイクロCT画像から胚を構成する細胞と間隙の抽出法の検討	峰雪 芳宣	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-534	2光子顕微鏡を用いた非浸襲4次元可視化解析による生体皮膚構造評価法の確立	日比 輝正	北海道大学電子科学研究所
統合イメージング共同利用研究	16-535	オルガネラ膜構造定量解析法の確立	及川 和聡	理化学研究所環境資源科学研究センター

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
統合イメージング共同利用研究	16-536	Identification of Subtype-Specific Cells And Their Biological function after Spinal Cord Injury in Zebrafish Embryos	TSAI, Huai-jen	Mackay Medical College Institute of Biomedical Sciences
統合イメージング共同利用研究	16-537	織毛虫 <i>Lacrymaria olor</i> の細胞伸縮に伴う細胞膜の動態と細胞内Ca ²⁺ 濃度の変化の解析	園部 誠司	兵庫県立大学大学院生命理学研究科
統合イメージング共同利用研究	16-538	メダカ誘発突然変異体を用いた腸管閉鎖機構のイメージング	小林 大介	京都府立医科大学大学生体機能形態科学
研究会	16-601	昆虫デザイン研究会 - 家畜化過程の理解とポスト家畜化	日下部 宜宏	九州大学大学院農学研究院
研究会	16-603	第2回 次世代両生類研究会	荻野 肇	長浜バイオ大学バイオサイエンス学部
研究会	16-604	第2回 ユニークな少数派実験動物を扱う若手が最先端アプローチを勉強する会	飯田 敦夫	京都大学再生医科学研究所
研究会	16-605	第一回 RNA 顆粒/RNAタンパク質複合体 研究会	杉浦 麗子	近畿大学薬学部
研究会	16-606	Biothermology Workshop -生命システムの熱科学-	広井 賀子	慶應義塾大学理工学部
研究会	16-607	細胞分化を誘導する細胞周期制御システム	西浜 竜一	京都大学大学院生命科学研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-701	マウス皮膚における紫外線誘発突然変異の作用スペクトル解析: 皮膚特異的変異誘発抑制応答の機構解明	池畑 広伸	東北大学大学院医学系研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-702	メダカの交尾前生殖隔離行動に必要なスペクトル情報の取得	深町 昌司	日本女子大学理学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-703	南極の気生緑藻 <i>Prasiola crispa</i> の光合成の波長依存特性	小杉 真貴子	中央大学理工学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-704	エダアシクラゲの配偶子放出を誘起する光刺激に関わる光受容タンパク質の同定	立花 和則	東京工業大学バイオ研究基盤支援総合センター
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-705	藻類の光防御メカニズムの光強度・波長応答性の探索	皆川 純	自然科学研究機構基礎生物学研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-706	サンゴ共生藻類「褐虫藻」の走行性の特性と意義	高橋 俊一	自然科学研究機構基礎生物学研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-707	構造用複合材料における光劣化メカニズムV	永田 謙二	名古屋工業大学大学院工学研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-708	紫外線単独、ならびに化学物質共存下での突然変異・DNA損傷誘起に関する研究	有元 佐賀恵	岡山大学大学院医歯薬学総合研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-709	光照射が及ぼす渦鞭毛藻類へのウイルス感染の影響評価	中山 奈津子	水産総合研究センター瀬戸内海区水産研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	16-710	寄生植物ネナシカヅラの寄生根誘導に関する光質特性の解析	真野 昌二	自然科学研究機構基礎生物学研究所
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-901	魚類遺伝資源保存と再生に関する研究	藤本 貴史	北海道大学大学院水産科学研究院
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-902	形質転換樹木の超低温保存技術に関する基礎研究(交雑ポプラ)	荒川 圭太	北海道大学大学院農学研究院

平成28年度基生研共同利用研究実施一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-903	生殖幹細胞のガラス化保存法と借り腹生産技術の開発(メダカ、ネッタイツメガエル、アフリカツメガエル)	関 信輔	秋田大学バイオサイエンス教育・研究サポートセンター
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-905	ガラス化法を用いた植物遺伝資源の効率的超低温保存技術の開発と応用研究	田中 大介	農業・食品産業技術総合研究機構遺伝資源センター
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-906	シダ植物、コケ植物その他植物培養細胞の長期保存法の開発	栗山 昭	東京電機大学理工学部
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-908	保存困難生物の凍結保存に向けた、ガラス状態安定化作用を持つ新規疎水化両性電解質高分子の開発	松村 和明	北陸先端科学技術大学院大学先端科学技術研究科
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-909	非モデル昆虫における汎用性の高い新規凍結保存技術の開発	新美 輝幸	自然科学研究機構基礎生物学研究所
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-910	希少霊長類遺伝資源の保存方法の確立	平井 啓久	京都大学霊長類研究所
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-911	ゾウリムシの凍結保存法の開発	藤島 政博	山口大学大学院創成科学研究科
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-912	絶滅危惧種スイゼンジノリ(Aphanothece sacrum)の保存・培養条件の検討	長濱 一弘	崇城大学生物生命学部
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-913	バクテリオファージ資源の長期安定保存のための凍結乾燥法の開発	土居 克実	九州大学大学院農学研究院
生物遺伝資源新規保存技術開発共同利用研究	16-914	浸透圧が極めて高い保存液を用いた動物の生殖細胞と生殖器官のガラス化凍結保存法の開発	枝重 圭祐	高知大学教育研究部