

平成24年度共同利用研究一覧

研究種別	課題番号	研究課題	提案代表者氏名	所属	所属
重点共同利用研究	12-101	発達過程におけるエネルギー代謝物質の動態およびその分子機能の解析	林 良樹	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
重点共同利用研究	12-102	Axial stem cells (体軸幹細胞)の制御による体軸形成	近藤 寿人	大阪大学	大学院生命機能研究科
重点共同利用研究	12-103	次世代シーケンサーを用いた, 突然変異体の原因遺伝子同定法の確立	澤 進一郎	熊本大学	大学院自然科学研究科
重点共同利用研究	12-104	脊椎動物の社会性を生み出す脳神経基盤と行動法則の解明を目指した生医工連携研究の確立	竹内 秀明	東京大学	大学院理学系研究科
重点共同利用研究	12-105	ヒト疾患モデルとしてのメダカ:コンディショナルKOなどを使った多面的解析系の確立	谷口 善仁	慶應義塾大学	医学部
モデル生物・技術開発共同利用研究	12-202	環境生物学の新興モデル生物「アブラムシ」の研究者コミュニティ形成とポストゲノム研究基盤構築	重信 秀治	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
モデル生物・技術開発共同利用研究	12-203	熱ショック誘導Cre/loxPシステムを利用したヒト疾患モデルメダカの作製と性状解析	清水 厚志	慶應義塾大学	医学部
モデル生物・技術開発共同利用研究	12-204	海産ラフィド藻における生理生態特性の分子解析手法の確立	紫加田 知幸	独立行政法人水産総合研究センター	瀬戸内海区水産研究所
個別共同利用研究	12-301	アポトーシス関連因子の胚発生における作用機序の解明	酒巻 和弘	京都大学	大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	12-303	ショウジョウバエ母性因子Mamoを用いた生殖細胞特異的な遺伝子発現プログラム再構成系の開発	向 正則	甲南大学	理工学部
個別共同利用研究	12-304	マイクロ流体デバイス技術を活用した抗体スクリーニングシステムの開発	木村 啓志	東海大学	工学部
個別共同利用研究	12-305	消化管における細胞外因子によるBMPシグナル勾配形成の可視化	福田 公子	首都大学東京	大学院理工学研究科
個別共同利用研究	12-306	マウス卵管における器官の非対称性と細胞極性をつなぐ機構の解析	上村 匡	京都大学	大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	12-307	カワカイメン幹細胞集団からの個体形成における骨片骨格形成過程の解明	船山 典子	京都大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-308	メダカ生殖細胞形成における母性 mRNA の機能の解析	日下部 りえ	神戸大学	大学院理学研究科

個別共同利用研究	12-309	IRレーザーを用いた任意細胞からのペプチド放出系の開発	丹羽 康夫	静岡県立大学	大学院生活健康科学研究科
個別共同利用研究	12-310	改変型Ptprzノックインマウスの作出とその機能解析	渡邊 利雄	奈良女子大学	大学院人間文化研究科
個別共同利用研究	12-311	マカクザル大脳新皮質における領野特異性・神経回路特異性規定因子の探索と生物学的意義の解明	郷 康広	京都大学	霊長類研究所
個別共同利用研究	12-312	トゲウオ科魚類における性染色体転座と種分化	北野 潤	情報システム研究機構	国立遺伝学研究所
個別共同利用研究	12-313	Analysis of the link between symbiosis and parasitic infection of plants by the root-knotnematode <i>Meloidogyne hapla</i>	GOTO, Derek	北海道大学	創成研究機構
個別共同利用研究	12-314	ミヤコグサおよびダイズにおける開花調節機構の解析	瀬戸口 浩彰	京都大学	大学院人間・環境学研究科
個別共同利用研究	12-315	ミヤコグサおよびその根粒菌の遺伝子精密破壊法の開発・改良	佐伯 和彦	奈良女子大学	理学部
個別共同利用研究	12-316	ミヤコグサのアーバスキュラー菌根共生特異的に発現する遺伝子の機能解析	上中 弘典	鳥取大学	農学部
個別共同利用研究	12-317	根粒菌感染過程での植物細胞内膜系の動態	松岡 健	九州大学	大学院農学研究院
個別共同利用研究	12-318	ノックアウトメダカを用いた野外適応遺伝子の機能解析	北野 潤	情報システム研究機構	国立遺伝学研究所
個別共同利用研究	12-319	遺伝子改変メダカの作製, および無尾両生類におけるホルモン応答性アクアポリンの遺伝子領域の解析	鈴木 雅一	静岡大学	理学部
個別共同利用研究	12-320	メダカ胚の腎臓を、蛍光タンパク質を用いて可視化するトランスジェニックラインの作成	小林 大介	京都府立医科大学	大学院医学研究科
個別共同利用研究	12-321	ポジショナルクローニング法を用いた突然変異原因遺伝子および人工遺伝子導入部位の検索	木下 政人	京都大学	大学院農学研究科
個別共同利用研究	12-323	Torキナーゼを介した細胞周期制御の細胞老化過程への関与	松浦 彰	千葉大学	大学院融合科学研究科
個別共同利用研究	12-324	DNA トランスポゾンによる遺伝学および逆遺伝学的手法によるイネ遺伝子の機能ゲノム学的解析法の開発	前川 雅彦	岡山大学	資源植物科学研究所
個別共同利用研究	12-325	アサガオにおけるストレス応答花成の遺伝子制御	和田 清俊	新潟大学	理学部
個別共同利用研究	12-326	ステロイドホルモン受容体の二量体化と核移行の分子機構解明	勝 義直	北海道大学	大学院理学研究院
個別共同利用研究	12-327	マウス雌性生殖腺の遺伝子発現に対する周生期性ホルモン投与の影響	佐藤 友美	横浜市立大学	大学院生命ナノシステム科学研究科

個別共同利用研究	12-328	両生類における精巣卵形成誘起過程の分子機構解明	小林 亨	静岡県立大学	環境科学研究所
個別共同利用研究	12-329	メダカ脳におけるアンドロゲン受容体の機能と局在の解明	坂本 浩隆	岡山大学	大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	12-330	両生類において環境化学物質により誘導される精巣卵形成関連遺伝子の探索	高瀬 稔	広島大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-331	新生児期化学物質暴露による甲状腺ホルモン系攪乱作用の分子機構の解明	藤本 成明	広島大学	原爆放射線医科学研究所
個別共同利用研究	12-332	非モデルシアノバクテリアにおける光合成アンテナの補色調節機構の解明	広瀬 侑	豊橋技術科学大学	エレクトロニクス先端融合研究所
個別共同利用研究	12-333	海産珪藻の光発芽における分子機構の解明	紫加田 知幸	水産総合研究センター	瀬戸内海区水産研究所
個別共同利用研究	12-334	近縁ゲノム多数比較によるゲノム進化過程再構築の方法の開発	小林 一三	東京大学	大学院新領域創成科学研究科
個別共同利用研究	12-335	環境メタゲノムの情報学的研究	高見 英人	海洋研究開発機構	極限環境生物圏研究センター
個別共同利用研究	12-336	カメレオンナノトランスジェニックマウスを用いたCa ²⁺ 依存性機能の可視化解析	根本 知己	北海道大学	電子科学研究所
個別共同利用研究	12-337	哺乳類概日リズムの中核組織における情報伝達と対称性の研究	沼野 利佳	豊橋技術科学大学	エレクトロニクス先端融合領域
個別共同利用研究	12-338	多光子励起顕微鏡を用いたがん幹細胞、骨細胞と骨軟骨細胞のインビボイメージング	今村 健志	愛媛大学	大学院医学系研究科
個別共同利用研究	12-339	Lactobacillus gasseri LA158 により生産される二成分性バクテオシンの構造と機能特性	齋藤 忠夫	東北大学	大学院農学研究科
個別共同利用研究	12-340	アブラムシ多型発現のエピジェネティックな調節機構の解析	佐々木 哲彦	玉川大学	学術研究所
個別共同利用研究	12-341	キジラミ菌細胞のトランスクリプトーム解析	中鉢 淳	豊橋技術科学大学	エレクトロニクス先端融合研究所
個別共同利用研究	12-342	Gene body メチル化の生物学的意義と分子機構の解明	鈴木 美穂	愛知県心身障害科 二一	発達障害研究所
個別共同利用研究	12-343	ソフトコーラルSarcophyton属に含まれるジテルペン化合物機能の解明	前川 秀彰	琉球大学	熱帯生物圏研究センター
個別共同利用研究	12-344	シロアリ類における防衛方法の多様性進化の解明	北條 優	琉球大学	熱帯生物圏研究センター
個別共同利用研究	12-345	IR-LEGO顕微鏡による脈管系内皮細胞での遺伝子発現系の樹立	木村 英二	岩手医科大学	医学部
個別共同利用研究	12-346	メダカ突然変異体を用いた魚類変態機構の解析	横井 勇人	東北大学	大学院農学研究科

個別共同利用研究	12-347	Mathematical morphology による組織切片像の定量的評価手法の発展	尾田 正二	東京大学	大学院新領域創成科学研究科
個別共同利用研究	12-348	外部形態の背側化を制御するメダカzic1/zic4の発現境界維持機構の解析	塚原 達也	東京大学	大学院理学系研究科
個別共同利用研究	12-349	R-Avr認識後の細胞間防御応答シグナルの解析	別役 重之	東京大学	大学院理学系研究科
個別共同利用研究	12-351	ゼブラフィッシュ近交系による大規模TILLINGライブラリー作成系の構築	新屋 みのり	情報・システム研究機構	国立遺伝学研究所
個別共同利用研究	12-352	TILLING法によるプロゲスチン膜受容体遺伝子変異メダカの作出	徳元 俊伸	静岡大学	理学部
個別共同利用研究	12-353	モデル小型魚類利用によるシアル酸代謝とその機能解明研究	北島 健	名古屋大学	生物機能開発利用研究センター
個別共同利用研究	12-354	メダカの色素胞発生におけるSoxファミリーの機能解析	橋本 寿史	名古屋大学	生物機能開発利用研究センター
個別共同利用研究	12-355	赤外レーザー遺伝子発現顕微鏡(IR-REGO)を用いた植物の光屈性の解析	長谷 あきら	京都大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-356	IR-LEGOを用いた細胞間シグナル伝達機構の解析	中島 敬二	奈良先端科学技術大学院大学	バイオサイエンス研究科
個別共同利用研究	12-357	ライブイメージングとIR-LEGOシステムで迫る植物メリステムの制御動態	植田 美那子	奈良先端科学技術大学院大学	バイオサイエンス研究科
個別共同利用研究	12-358	遺伝子発現の安定化機構におけるパラログ間クロストークのライブイメージング	越智 陽城	山形大学	医学部
個別共同利用研究	12-359	IR-LEGOを利用した植物の細胞間協調作用の解析	柿本 辰男	大阪大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-360	再生組織可視化トランスジェニックメダカを用いた再生因子スクリーニングモデルの開発	出口 友則	産業技術総合研究所	健康工学研究部門
個別共同利用研究	12-361	メダカを利用した魚類の耐病性分子育種の基盤構築	冲中 泰	広島大学	大学院生物圏科学研究科
個別共同利用研究	12-362	メダカ突然変異体を用いたアリアルスルファターゼの形態形成における機能の解析	中坪 敬子	広島大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-363	赤外レーザー顕微鏡を用いたメダカにおける温度依存的性決定機構の解析	北野 健	熊本大学	大学院自然科学研究科
個別共同利用研究	12-364	ゼブラフィッシュ中枢神経再生・修復分子の発現機構に関する研究	杉谷 加代	金沢大学	医薬保健研究域
個別共同利用研究	12-365	骨芽細胞におけるクロマチン性差	福井 由宇子	国立長寿医療研究センター	老化制御研究部

個別共同利用研究	12-366	精巣における胎仔型および成獣型ライディッヒ細胞の機能解析	諸橋 憲一郎	九州大学	大学院医学研究院
個別共同利用研究	12-367	アフリカツメガエルの四肢再生の研究に関するIR-LEGOの適用	林 真一	東北大学	大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	12-368	植物ミトコンドリア動態突然変異体の細胞内解析	有村 慎一	東京大学	大学院農学生命科学研究科
個別共同利用研究	12-369	異種生物並行解析法の開発	升井 伸治	京都大学	iPS細胞研究所
個別共同利用研究	12-370	TILLING法によるメダカ骨形成突然変異体のスクリーニング	猪早 敬二	東京工業大学	大学院生命理工学研究科
個別共同利用研究	12-371	新規アポスポリー制御遺伝子を用いた陸上植物の異形世代交代を司る制御機構の解明	榊原 恵子	広島大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-372	植食性昆虫の寄主転換をモデルとした複合適応形質の遺伝基盤と進化機構の解明	大島 一正	京都府立大学	大学院生命環境科学研究科
個別共同利用研究	12-373	植物と動物に共通の共生細菌維持機構の解明	内海 俊樹	鹿児島大学	大学院理工学研究科
個別共同利用研究	12-374	GnRH2ニューロン局所破壊による行動学的解析	岡 良隆	東京大学	大学院理学系研究科
個別共同利用研究	12-375	ウシの枝肉重量QTLの責任遺伝子ならびに骨格異常原因遺伝子の同定	高須賀 晶子	家畜改良センター	企画調整部
個別共同利用研究	12-376	霊長類大脳皮質領野における樹状突起構造の3次元構造解析	一戸 紀孝	国立精神・神経医療研究センター	神経研究所
個別共同利用研究	12-377	無脊椎動物神経系の発現ペプチドデータベースの構築	吉国 通庸	九州大学	大学院農学研究院
個別共同利用研究	12-378	温度感受性新規蛍光タンパク質とIR-LEGOを用いた細胞内温度計測システムの開発と細胞内外の微小環境制御	中野 雅裕	大阪大学	産業科学研究所
個別共同利用研究	12-379	タンパク質架橋化酵素ファミリー遺伝子産物の生理的意義の解明	人見 清隆	名古屋大学	大学院創薬科学研究科
個別共同利用研究	12-380	ミヤコグサの共生と生殖の関連性の解析	齋藤 勝晴	信州大学	農学部
個別共同利用研究	12-381	イネのDNAメチル可制御遺伝子のターゲティング改変体の分子レベルの機能解析	寺田 理枝	名城大学	農学部
個別共同利用研究	12-382	イセハナビ属植物を用いた周期的一斉開花の進化研究	柿嶋 聡	静岡大学	創造科学技術大学院
個別共同利用研究	12-383	DNAメチル化酵素の配列特異性の変換によるエピゲノム進化	小林 一三	東京大学	大学院新領域創成科学研究科
個別共同利用研究	12-384	ダリアの花弁発現の不安定性に関わるカルコンシンターゼ遺伝子のタンデム構造の同定	細川 宗孝	京都大学	大学院農学研究科

個別共同利用研究	12-385	光学的アプローチによる非侵襲的時期および空間特異的細胞除去法による細胞機能解析	瀬原 淳子	京都大学	再生医科学研究所
個別共同利用研究	12-386	ゼノパス四肢再生における網羅的な遺伝子発現解析	横山 仁	東北大学	大学院生命科学研究科
個別共同利用研究	12-387	ショウジョウバエをモデルとした音識別システムの動作原理の解読	上川内 あづさ	名古屋大学	大学院理学研究科
個別共同利用研究	12-388	重力感受組織と器官屈曲との空間的関連性	森田 美代	奈良先端科学技術大学院大学	バイオサイエンス研究科
個別共同利用研究	12-389	魚類の性決定に関する研究	菊池 潔	東京大学	大学院農学生命科学研究科付属水産実験所
個別共同利用研究	12-390	メダカ精原幹細胞の単離	山下 正兼	北海道大学	大学院理学研究院
個別共同利用研究	12-391	ブドウ球菌属ゲノム比較に関する研究	菅井 基行	広島大学	大学院医歯薬保健学研究院
個別共同利用研究	12-392	COPII小胞輸送異常により引き起こされる表現型および遺伝子発現変動解明のための解析	中川 強	島根大学	総合科学研究支援センター
研究会	12-401	植物の生長と形作りの分子機構に関する研究会	篠原 秀文	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
研究会	12-402	モデル生物・非モデル生物のプロテオミクスが拓く生物学	加藤 尚志	早稲田大学	教育・総合科学学術院
研究会	12-403	生命情報科学若手の会 第4回研究会	大林 武	東北大学	大学院情報科学研究科
研究会	12-404	第5回 Evo-devo 青年の会「原義の”epigenetics”から進化を理解する」	田尻 怜子	東京大学	大学院新領域創成科学研究科
研究会	12-405	微細藻類に関する多種多様な生物学的知見の統合	大西 紀和	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
研究会	12-406	第2回ゲノム編集研究会	山本 卓	広島大学	大学院理学研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	12-501	マウス皮膚における紫外線誘発突然変異の作用スペクトル解析:皮膚特異的変異誘発抑制応答の機構解明	池畑 広伸	東北大学	大学院医学系研究科
大型スペクトログラフ共同利用実験	12-502	南極の陸上に生育する光合成生物の乾燥時における光阻害防御の光波長依存特性	小杉 真貴子	情報・システム研究機構	国立極地研究所
大型スペクトログラフ共同利用実験	12-503	メダカの交尾前生殖隔離行動に関わる光波長の同定	深町 昌司	日本女子大学	理学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	12-504	機能性材料の開発と評価法確立を目指した分光照射実験	西本 右子	神奈川大学	理学部
大型スペクトログラフ共同利用実験	12-505	ヒト細胞における遺伝子発現アクションスペクトラム解析	石垣 靖人	金沢医科大学	総合医学研究所

大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-506	脊椎動物の脳深部光受容体機構の解明	吉村 崇	名古屋大学	大学院生命農学研究科
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-507	緩照射低線量紫外線に対するDNA損傷トランス機構の役割	小松 賢志	京都大学	放射線生物研究センター
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-508	日本産ミドリゾウリムシ共生藻におけるマルトース放出機構の解析	今村 信孝	立命館大学	薬学部
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-509	魚類細胞における光応答メカニズム	藤堂 剛	大阪大学	大学院医学系研究科
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-510	イカダケイソウの光応答反応	園部 誠司	兵庫県立大学	大学院生命理学研究科
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-511	紫外線単独、ならびに化学物質共存下での突然変異・DNA損傷誘起に関する研究	有元 佐賀恵	岡山大学	大学院医歯薬学総合研究科
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-512	過鞭毛藻シストにおける発芽の光制御機構に関する研究	坂本 節子	水産総合研究センター	瀬戸内海区水産研究所
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-513	light dependency of non photochemical quenching onset in microalgae	FINAZZI, Giova	CEA Grenoble(France)	
大型スペクトログラフ 共同利用実験	12-514	構造用複合材料における光劣化メカニズム	永田 謙二	名古屋工業大学	大学院工学研究科
DSLML共同利用実験	12-601	マウス初期胚での生体エネルギー分布の観察	山本 正道	群馬大学	先端科学研究指導者育成ユニット
DSLML共同利用実験	12-602	ホヤ幼生形態形成過程の全細胞3次元トラッキング	堀田 耕司	慶應義塾大学	理工学部
DSLML共同利用実験	12-603	ゼブラフィッシュ胚における分節時計遺伝子発現解析	近藤 晶子	藤田保健衛生大学	総合医科学研究所
DSLML共同利用実験	12-604	メダカのリンパ管発生過程のライブイメージング	出口 友則	産業技術総合研究所	健康工学研究部門
DSLML共同利用実験	12-605	アメーバ運動に伴う細胞膜ダイナミクス	園部 誠司	兵庫県立大学	大学院生命理学研究科
次世代DNAシーケンサー 共同利用実験	12-701	昆虫類における社会組織化の分子機構とその進化過程	三浦 徹	北海道大学	大学院地球環境科学研究院
次世代DNAシーケンサー 共同利用実験	12-702	細胞性粘菌のオーガナイザー形成と細胞分化にかかわる遺伝子の同定	福澤 雅志	弘前大学	農学生命科学部
次世代DNAシーケンサー 共同利用実験	12-703	アノールトカゲにおける複合適応形質としての温度適応分化の遺伝的基盤の解明	牧野 能士	東北大学	大学院生命科学研究科
次世代DNAシーケンサー 共同利用実験	12-704	棘皮動物プルテウス幼生進化に関する研究	和田 洋	筑波大学	大学院生命環境科学研究科
次世代DNAシーケンサー 共同利用実験	12-705	半翅目昆虫と共生細菌の相互作用に関する網羅的遺伝子発現解析	深津 武馬	産業技術総合研究所	生物プロセス研究部門

次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-706	不活性クロマチンを維持できないイネ系統における新規トランスポゾン転移の探索	土生 芳樹	農業生物資源研究所	農業生物先端ゲノム研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-707	倍数体化に伴うalternative splicingの変化に関する解析	塚谷 裕一	東京大学	大学院理学系研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-708	性的二型と闘争・求愛行動の進化	松尾 隆嗣	東京大学	大学院農学生命科学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-709	ゼブラフィッシュ側線神経の細胞集団における単一細胞遺伝子発現ゆらぎの解析	塚原 達也	東京大学	大学院理学系研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-710	軟骨, 性分化における生物種間でのSOX9の標的遺伝子の比較解析	浅原 弘嗣	東京医科歯科大学	大学院医歯学総合研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-711	Candidatus Helicobacter heilmanniiのゲノム解析	松井 英則	北里大学	北里生命科学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-712	東アフリカ3大湖産シクリッドの網羅的ゲノム決定とその比較	岡田 典弘	東京工業大学	大学院生命理工学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-713	深海性二枚貝と化学合成細菌の共生系における遺伝子発現解析	吉田 尊雄	海洋研究開発機構	海洋・極限環境生物圏領域
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-714	有袋類の性分化遺伝子の網羅的解析	颯田 葉子	総合研究大学院大学	先端科学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-715	体色変化を引き起こす共生細菌のゲノム解析, ならびに体色変化にともなう宿主アブラムシの網羅的遺伝子発現解析	土田 努	富山大学	
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-716	次世代シーケンサーによる系統解析の革新	西山 智明	金沢大学	学際科学実験センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-717	高等植物単膜系オルガネラ形成制御遺伝子群の迅速同定	林 誠	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-718	進化過程における葉緑体とペルオキシソームの多様性と適応性の解明	真野 昌二	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-719	Small RNA 及び pre-miRNA のプロファイリングを併用した新奇miRNAの同定	立松 圭	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-720	ヒメツリガネゴケのリプログラミングを制御する分子機構の解明	玉田 洋介	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-721	次世代シーケンサーによるミヤコグサ共生変異体原因遺伝子の迅速同定	川口 正代司	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-722	根粒・菌根共生システムの成立に関わる遺伝子のトランスクリプトーム解析	寿崎 拓也	自然科学研究機構	基礎生物学研究所

次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-723	次世代DNAシーケンサーを用いた養殖魚類のゲノム育種研究	成瀬 清	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-724	DNAトランスポゾンを用いた逆遺伝学的手法によるイネ遺伝子破壊システムの構築	梶根 一夫	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-725	次世代シーケンサーを用いた、珪藻フェオダクテラムおよび緑藻クラミドモナスの環境適応に関わる遺伝子の探索	皆川 純	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-726	カブトムシの角(ツノ)形成遺伝子群の単離	新美 輝幸	名古屋大学	大学院生命農学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-727	Study on the epigenetic factors acting downstream of DNA methylation using Arabidopsis mutants	西村 泰介	名古屋大学	生物機能開発利用研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-728	ヒトを特徴づける脳比較トランスクリプトーム・比較メチローム解析	郷 康広	京都大学	霊長類研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-729	マイマイカブリのゲノムと適応形態遺伝子	曾田 貞滋	京都大学	大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-730	コンロンソウ (Cardamine leucantha)における3成長相メリステムの比較トランスクリプトーム解析	工藤 洋	京都大学	生態学研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-731	ミヤコグサおよびダイズ野生種における開花調節機構の解析	瀬戸口 浩彰	京都大学	大学院人間・環境学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-732	クロオオアリの社会行動の分子基盤研究のためのゲノムおよびRNA-seq解析	尾崎 まみこ	神戸大学	大学院理学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-733	海産珪藻における光発芽のトランスクリプトーム解析	紫加田 知幸	水産総合研究センター	瀬戸内海区水産研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-734	二次共生成立機構解明のためのミドリゾウリムシと共生クロレラのトランスクリプトーム解析	藤島 政博	山口大学	大学院理工学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-735	送粉適応した協調的な花形質の進化:キスゲ属における遺伝子基盤とその分子進化の解明	大西 梢	九州大学	大学院理学研究院
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-736	アリ類の長期間にわたる大量の精子貯蔵メカニズムとその進化の解明	後藤 彩子	琉球大学	農学部
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-737	Profiling of long non-coding RNA in Drosophila germline stem cell lineage	甲斐 歳恵	Temasek Lifesciences Laboratory	
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-738	次世代DNAシーケンサーによる遺伝性難病の遺伝子解析	瀬藤 光利	浜松医科大学	解剖学講座
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-739	寄生植物コシオガマの寄生形質獲得に関わる遺伝子の同定	吉田 聡子	理化学研究所	植物科学研究センター

次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-740	爬虫類及び甲殻類を用いた環境性決定のメカニズム解析	井口 泰泉	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-741	シロイヌナズナにおける新規ペプチドホルモンRGFの情報伝達機構解析	松林 嘉克	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-742	脳室周囲器官特異的発現遺伝子の網羅的探索	作田 拓	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-743	潮汐リズム環境下におけるマングローブの概日リズム制御	渡辺 信	琉球大学	熱帯生物圏研究センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-744	非モデル海産生物のトランスクリプトーム・プロテオーム情報に基づく鞭毛繊維毛多様化機構の解明	稲葉 一男	筑波大学	下田臨海実験センター
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-745	β -catenin非依存的に転写制御に関わるWntシグナル因子の探索	三井 優輔	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-746	発光魚キンメドモドキのルシフェラーゼの同定	大場 裕一	名古屋大学	大学院生命農学研究科
次世代DNAシーケンサー共同利用実験	12-747	シロオビアゲハとベニモンアゲハの翅紋様形成に関わる遺伝子の網羅的解析	藤原 晴彦	東京大学	大学院新領域創成科学研究科
トレーニングコース実習室	12-801	精子凍結・人工授精トレーニングコース	亀井 保博	自然科学研究機構	基礎生物学研究所
トレーニングコース実習室	12-802	新学術領域研究「植物の環境感覚」第4回ワークショップ「植物個体における局所遺伝子発現法(IR-LEGO)」	亀井 保博	自然科学研究機構	基礎生物学研究所